

**PLIEGO DE PRESCRIPCIONES TÉCNICAS PARA CONTRATO DE SUMINISTRO DE REACTIVOS DE SECUENCIACIÓN MASIVA CON ADAPTADORES P5/P7 A ADJUDICAR POR FUNDACIÓN PARA LA INVESTIGACIÓN BIOMÉDICA DEL HOSPITAL UNIVERSITARIO 12 DE OCTUBRE MEDIANTE EL PROCEDIMIENTO ABIERTO SEGÚN CRITERIO PRECIO. EXPEDIENTE 2018/076**

**1. OBJETO DE LA CONTRATACIÓN.**

El presente Pliego de Prescripciones Técnicas tiene por objeto definir las características y requisitos técnicos que habrán de reunir los bienes que se oferten en este concurso, para la contratación del suministro de reactivos de secuenciación masiva con adaptadores P5/P7.

**Concepto:** El objeto del procedimiento es la contratación de un suministro que permita la realización de las reacciones de secuenciación masiva en los equipos disponibles en la Institución (NextSeq500 y MiSeq).

**Código CPV:** 3369500-0 Reactivos de laboratorio

**Necesidad:** Los reactivos de secuenciación masiva son necesarios para identificar diferencias en la expresión de genes y en la identificación de mutaciones génicas asociadas al diagnóstico, respuesta al tratamiento y evolución en enfermedades oncohematológicas entre otras.

**2. DESCRIPCIÓN DEL SUMINISTRO:**

El suministro objeto de este procedimiento incluirá los elementos siguientes:

PRODUCTO
Cartucho de alto rendimiento para secuenciación masiva de 150 ciclos. High output
Cartucho de alto rendimiento para secuenciación masiva de 300 ciclos. High output
Cartucho de medio rendimiento para secuenciación masiva de 300 ciclos. Mid output
Cartucho alto rendimiento para secuenciación masiva de 600 ciclos. V3
Cartucho de bajo rendimiento para secuenciación masiva de 500 ciclos. V2
Librería control con adaptadores p5/p7 para secuenciación de librerías de baja diversidad
Kit de generación de librerías mediante transposición
Kit de índices para marcar librerías de secuenciación generadas mediante transposición
Kit de preparación de librerías de DNA de alto rendimiento

### 3. REQUERIMIENTOS TÉCNICOS:

- El formato de los reactivos de secuenciación tiene que ser compatible para secuenciar cualquier tipo de librería con los equipos NExSeq y Miseq disponibles en la institución.
- Los reactivos deben permitir la obtención de 800 millones de lecturas (alto rendimiento), 260 millones de lecturas (rendimiento medio) o 25 millones de lecturas para secuencias largas de 300 pares de bases.
- Los reactivos deben permitir secuenciación en ambos sentidos de la librería (pair-end) y con los adaptadores p5 y p7.
- La librería control debe llevar ligados los adaptadores p5 y p7 y presentar suficiente diversidad en la composición de bases para permitir la secuenciación conjunta con librerías de baja diversidad nucleotídica.
- El Kit de generación de librerías mediante transposición debe incorporar los adaptadores p5 y p7 en las librerías y ser suficiente para preparar 24 librerías.
- El Kit de índices para marcar librerías de secuenciación generadas mediante transposición debe permitir marcar 96 muestras con 24 índices diferentes.
- El kit de generación de librerías de alto rendimiento debe permitir la preparación de 96 librerías mediante ligación de fragmentos de DNA, y debe ser compatible con enriquecimiento por sondas y con secuenciación en ambos sentidos. Así mismo debe incluir índices suficientes para marcar 96 muestras.

### 4. LUGAR DE ENTREGA:

Laboratorio de Biología Molecular/Investigación de Hematología Traslacional, Planta 6, bloque D, Edificio de actividades ambulatorias. Hospital Universitario 12 de Octubre.

### 5. PLAZO DE ENTREGA

Las entregas se realizarán según los tiempos y necesidades de los proyectos para el cuales se realiza la adquisición, a cuyo efecto se emitirán por el personal investigador de los proyectos las correspondientes órdenes de pedido. El contratista deberá suministrar el producto solicitado en el plazo de DIEZ (10) días.

Madrid, a 3 de agosto de 2018

  
Fdo: Joaquín Arenas Barbero



CONFORME:

FIRMADO EL ADJUDICATARIO  
FECHA: